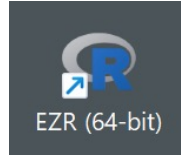


	扱うデータの種類		
	二値変数	連続変数	生存期間
要約	分割表	ヒストグラム 箱ひげ図 散布図	Kaplan-Meiser曲線
2群の比較	Fisher正確検定 カイ2乗検定	t検定 Mann-Whitney U検定	logrank検定 一般化Wilcoxon検定
対応のある2群の比較	McNemar検定	対応のあるt検定 Wilcoxon符号不順位和検定	
3群以上の比較	Fisher正確検定 カイ2乗検定	分散分析(ANOVA) Kruskal-Wallis検定	logrank検定 一般化Kruskal-Wallis検定
対応のある3群の比較	Cochran Q検定	反復測定分散分析 Friedman検定	
(多変量)回帰分析	ロジスティック回帰	単回帰・重回帰	Cox比例ハザード回帰

MacでアイコンクリックでRコマンドを起動する方法

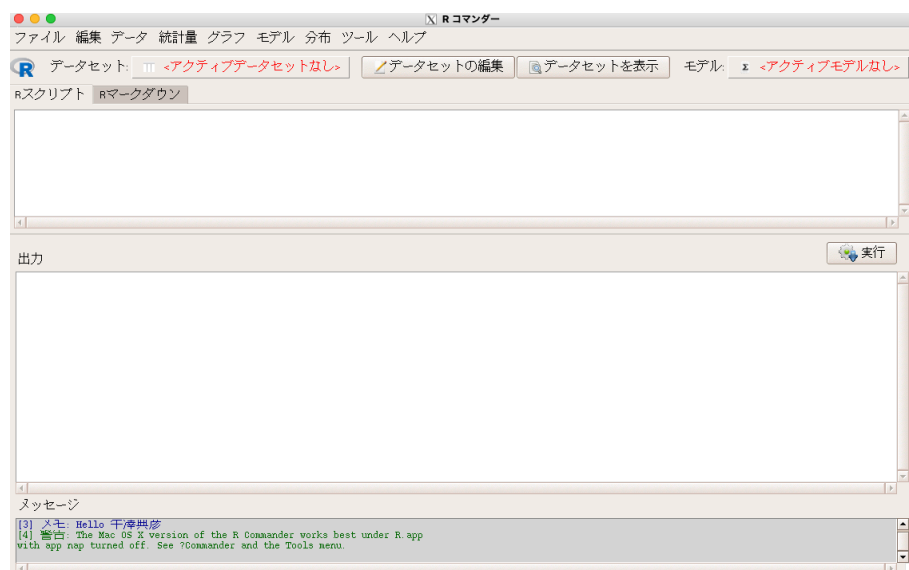
① <https://www.jichi.ac.jp/saitama-sct/SaitamaHP.files/statmedOSX.html> にアクセスして
下方にスクロール → 赤枠内をコピー



毎回、>library(Rcmdr)を
入力するのは面倒

```
> library(Rcmdr)
要求されたパッケージ splines をロード中です
要求されたパッケージ RcmdrMisc をロード中です
要求されたパッケージ car をロード中です
要求されたパッケージ carData をロード中です
要求されたパッケージ sandwich をロード中です
要求されたパッケージ effects をロード中です
lattice theme set by effectsTheme()
See ?effectsTheme for details.
--- このセッションで使うために、CRAN のミラーサイトを選んでください ---
依存対象 (dependency) 'coda', 'arm', 'mi', 'commonmark' もインストールします

URL 'https://ftp.yz.yamagata-u.ac.jp/pub/cran/bin/macosx/big-sur-arm64/contrib/
4.4/coda_0.19-4.1.tgz' を試しています
Content type 'application/x-azip' length 328347 bytes (320 KB)
```

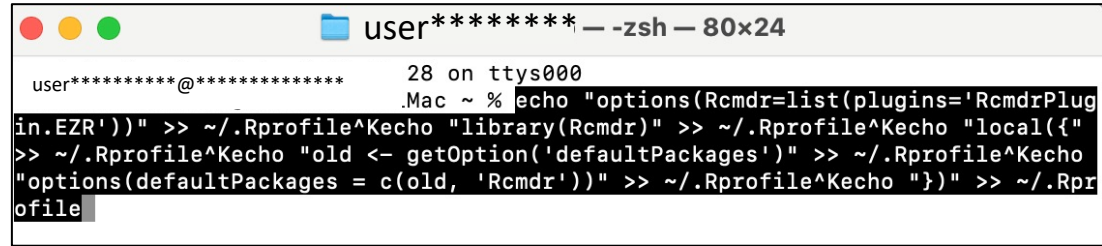
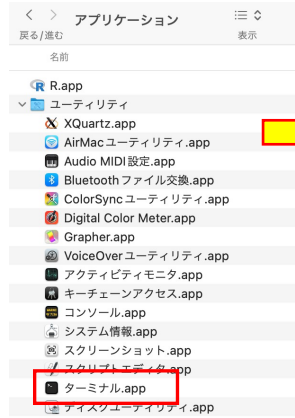


Starts here

```
echo "options(Rcmdr=list(plugins='RcmdrPlugin.EZR'))" >> ~/.Rprofile
echo "library(Rcmdr)" >> ~/.Rprofile
echo "local({" >> ~/.Rprofile
echo "old <- getOption('defaultPackages')" >> ~/.Rprofile
echo "options(defaultPackages = c(old, 'Rcmdr'))" >> ~/.Rprofile
echo "}")" >> ~/.Rprofile
```

Ends here

② Macのアプリケーション → ユーティリティ → ターミナル.appをクリックし、コピーした
赤枠部をペースト → return → terminal閉じる



アイコンをクリックするだけでRコマンド起動